

Aspectos generales

Título:	Introducción a los estudios de ADN antiguo y paleogenómica: teoría y aplicaciones
Programas de posgrado o planes de estudio en donde se ofertará adicionalmente:	
Posgrado en Ciencias Biológicas	
Área del conocimiento:	Ecología y biología evolutiva
Semestre:	2026-2
Modalidad:	Tópico selecto
Horario:	Por definir con los alumnos (Propuesta Martes de 2-4pm)
No. sesiones:	16
Horas por sesión:	2.0
Total alumnos PDCB:	10
Total alumnos:	10
Videoconferencia:	Si
Lugar donde se imparte:	Centro de Ciencias Genómicas. Será principalmente remoto/virtual
Informes:	msandovv@ccg.unam.mx, fsanchez@liigh.unam.mx

Métodos de evaluación

MÉTODO	PORCENTAJE	NOTAS
Evaluaciones en clase	20%	
Exposición de artículos	20%	
Participación	20%	
Proyecto final	40%	

Contribución de este curso/tópico en la formación del alumnado del PDCB:

-Este curso proveerá al alumnado del PDCB con conocimientos relevantes y fundamentales en paleogenómica, biología evolutiva, genética de poblaciones, entre otros campos afines. Estos conocimientos les permitirán desarrollar e interpretar datos de proyectos de investigación en dichas áreas. Este es un curso altamente recomendado para alumnas/alumnos que buscan adquirir conocimientos y conceptos teóricos para abordar la historia evolutiva y demográfica de especies/poblaciones, y cambio climático a partir de datos paleogenómica y tomando en cuenta una interpretación interdisciplinaria.

Profesor (a) responsable

Nombre:	Sandoval Velasco Marcela
Teléfono:	(222) 4475721
Email:	msandovv@ccg.unam.mx

Profesores (as) participantes

PARTICIPANTE	ENTIDAD O ADSCRIPCIÓN	SESIONES
--------------	-----------------------	----------

SANDOVAL VELASCO MARCELA Responsable	Centro de Ciencias Genómicas	Antecedentes históricos- los orígenes y el desarrollo del campo Consideraciones generales- Muestreo en museos y Muestreo de restos humanos Consideraciones generales- Muestreo en museos y Muestreo de restos humanos El futuro de la Paleogenómica Espacios seguros y libre de acoso para las mujeres en la ciencia- importancia desde la Genética de poblaciones y Paleogenómica Estudios de caso - Domesticación de animales Estudios de caso - Paleogenómica microbiana y patógenos antiguos Estudios de caso - Reconstrucción de paleoambientes Estudios de caso- Domesticación de plantas Introducción al análisis de datos - Plataformas de Seq. FastQ, Control de calidad, preprocesamiento y mapeo, ADN endógeno, clonalidad Presentación de trabajos finales I
SÁNCHEZ QUINTO FEDERICO ANDRÉS Integrante	Escuela Nacional de Estudios Superiores Juriquilla	Abances tecnologicos metodologicos- Características del AdnA: Fracmentación, contaminación y daño; estimación de daño y autenticación de Adna antiguo Aplicaciones del ADN al conocimiento del pasado- Historia evolutiva de humanos arcaicos Aplicaciones del ADN al conocimiento del pasado- Megafauna Avances tecnologicos y metodológicos- Los primeros genomas antiguos Introducción al análisis de datos Introducción al análisis de datos genético Presentación de trabajos finales Presentación de trabajos finales II Que es la ancestría genética, que significa y cómo debe ser interpretada

Introducción

Este curso proveerá al alumnado del PDCB con conocimientos relevantes y fundamentales en paleogenómica, biología evolutiva, genética de poblaciones, entre otros campos afines. Estos conocimientos les permitirán desarrollar e interpretar datos de proyectos de investigación en dichas áreas. Este es un curso altamente recomendado para alumnas/alumnos que buscan adquirir conocimientos y conceptos teóricos para abordar la historia evolutiva y demográfica de especies/poblaciones, y cambio climático a partir de datos paleogenómicos y tomando en cuenta una interpretación interdisciplinaria.

Temario

- 16 sesiones, 1 por semana, 2 horas cada una:

Sesión 1 - Dra. Marcela Sandoval y Dr. Federico Sánchez
 Espacios seguros y libre de acoso para las mujeres en la ciencia – importancia desde la Genética de Poblaciones y Paleogenómica (1 hr) + Teoría: Antecedentes históricos - Los orígenes y el desarrollo del campo: una breve historia. (1 hr). Total 2 hrs

Sesión 2 - Dr. Federico Sánchez
 Teoría: Avances tecnológicos y metodológicos - Los primeros genomas antiguos. (2 hrs)

Sesión 3 - Dra. Marcela Sandoval
 Teoría: Avances tecnológicos y metodológicos - Características del ADN: Fragmentación, contaminación y daño; estimación de daño y autenticación de aDNA antiguo. (2 hrs)

Sesión 4 - Dra. Marcela Sandoval
 Teoría: Métodos experimentales - Extracción de ADN y Librerías de secuenciación. Estrategias de enriquecimiento y/o captura (2 hrs)

Sesión 5 - Dra. Marcela Sandoval
 Consideraciones generales y éticas - Muestreo en museos y Muestreo de restos humanos. (2 hrs)

Sesión 6 - Dr. Federico Sánchez
 Teoría: Introducción al análisis de datos - Plataformas de Seq. FastQ, Control de calidad, preprocesamiento y mapeo, ADN endógeno, clonalidad y autenticación de aDNA antiguo. (2 hrs)

Sesión 7 - Dr. Federico Sánchez
 Introducción al análisis de datos genéticos - PCA, ADMIXTURE, fstats, ROH (2 hrs)

Sesión 8 - Invitada Especial Dra. María Ávila Arcos
 ¿Qué es la ancestría genética, qué significa y cómo debe ser interpretarla? (2 hrs)

Sesión 9 - Dr. Federico Sánchez
 Aplicaciones del ADN al conocimiento del pasado - Historia Evolutiva de humanos y humanos arcaicos (2 hr)

Sesión 10 - Invitada Especial Dra. Miriam Bravo Lopez
 Aplicaciones del ADN al conocimiento del pasado - Virus y patógenos. (2 hrs)

Sesión 11 - Invitado Especial Mick Westbury
 Aplicaciones del ADN al conocimiento del pasado – Megafauna. (2 hrs)

Sesión 12 - Invitada Especial Dra. Barbara Moguel

Estudios de caso - Reconstrucción de paleoambientes (2 hrs)
Sesión 13 - Dra. Marcela Sandoval
Estudios de caso - Domesticación de plantas y animales. (2 hrs)
Sesiones 14 y 15 - Dra. Marcela Sandoval y Dr. Federico Sánchez
Presentación de trabajos finales I (2 hrs)
Presentación de trabajos finales II (2 hrs)
Sesión 16 - Dra. Marcela Sandoval y Dr. Federico Sánchez
El futuro de la paleogenómica (2 hrs)
Temas y horas de cada profesor:
Profesor 1: Dra. Marcela Sandoval Velasco - 4 sesiones sola, 8hrs (Sesiones 3, 4, 5, 13), 4 sesiones junto con el Dr. Federico Sánchez 8 hrs (Sesiones 1, 14, 15 y 16), 4 sesiones coordinando a los invitados (Sesiones 8, 10, 11 y 12).
Sesiones sola:
Sesión 3 - Dra. Marcela Sandoval
Teoría: Avances tecnológicos y metodológicos - Características del ADN: Fragmentación, contaminación y daño; estimación de daño y autenticación de aDNA antiguo. (2 hrs)
Sesión 4 - Dra. Marcela Sandoval
Teoría: Métodos experimentales - Extracción de ADN y Librerías de secuenciación. Estrategias de enriquecimiento y/o captura (2 hrs)
Sesión 5 - Dra. Marcela Sandoval
Consideraciones generales y éticas - Muestreo en museos y Muestreo de restos humanos. (2 hrs)
Sesión 13 - Dra. Marcela Sandoval
Estudios de caso - Domesticación de plantas y animales. (2 hrs)
Profesor 2: Dr. Federico Sánchez - 4 sesiones solo, 8hrs (Sesiones 2, 6, 7, 9), 4 sesiones junto con el Dra. Marcela Sandoval 8 hrs (Sesiones 1, 14, 15 y 16), 4 sesiones coordinando a los invitados (Sesiones 8, 10, 11 y 12).
Sesiones solo:
Sesión 2 - Dr. Federico Sánchez
Teoría: Avances tecnológicos y metodológicos - Los primeros genomas antiguos. (2 hrs)
Sesión 6 - Dr. Federico Sánchez
Teoría: Introducción al análisis de datos - Plataformas de Seq. FastQ, Control de calidad, preprocesamiento y mapeo, ADN endógeno, clonalidad y autenticación de aDNA antiguo. (2 hrs)
Sesión 7 - Dr. Federico Sánchez
Introducción al análisis de datos genéticos - PCA, ADMIXTURE, fstats, ROH (2 hrs)
Sesión 9 - Dr. Federico Sánchez
Aplicaciones del ADN al conocimiento del pasado - Historia Evolutiva de humanos y humanos arcaicos (2 hr)
Sesiones compartidas Dra. Marcela Sandoval y Dr. Federico Sánchez
Sesión 1 - Dra. Marcela Sandoval y Dr. Federico Sánchez
Espacios seguros y libre de acoso para las mujeres en la ciencia – importancia desde la Genética de Poblaciones y Paleogenómica (1 hr) + Teoría: Antecedentes históricos - Los orígenes y el desarrollo del campo: una breve historia. (1 hr). Total 2 hrs
Sesiones 14 y 15 - Dra. Marcela Sandoval y Dr. Federico Sánchez
Presentación de trabajos finales I (2 hrs)
Presentación de trabajos finales II (2 hrs)
Sesión 16 - Dra. Marcela Sandoval y Dr. Federico Sánchez
El futuro de la paleogenómica (2 hrs)
Sesiones de invitados:
Sesión 8 - Invitada Especial Dra. María Ávila Arcos (LIIGH-UNAM)
¿Qué es la ancestría genética, qué significa y cómo debe ser interpretarla? (2 hrs)
Sesión 10 - Invitada Especial Dra. Miriam Bravo Lopez (Arizona State University)
Aplicaciones del ADN al conocimiento del pasado - Virus y patógenos. (2 hrs)
Sesión 11 - Invitado Especial Mick Westbury (Technical University Denmark)
Aplicaciones del ADN al conocimiento del pasado – Megafauna. (2 hrs)
Sesión 12 - Invitada Especial Dra. Barbara Moguel (Universidad de las Américas Puebla)
Estudios de caso - Reconstrucción de paleoambientes (2 hrs)

Bibliografía

- ? Der Sarkissian et al 2015 "Ancient genomics", doi: 10.1098/rstb.2013.0387
? Gunther & Jakobsson 2019 "Population Genomic Analyses of DNA from Ancient Remains", doi: 10.1002/9781119487845.ch10.
? Orlando et al 2020. Ancient DNA analysis. Nature Reviews Methods.
? Dabney, Meyer and Paabo 2019, "Ancient DNA Damage", doi: 10.1101/cshperspect.a012567
? Peyrégne S & Prüfer K 2020 Present-Day DNA Contamination in Ancient DNA Datasets. Bioessays. 2020 doi: 10.1002/bies.202000081.

? Renaud et al 2019, "Authentication and Assessment of Contamination in Ancient DNA", doi: 10.1007/978-1-4939-9176-1_17.
? Nota: NO leer secciones de PaleoMix y schmutzi.
? Moreno-Mayar 2019. "A likelihood method for estimating present-day human contamination in ancient male samples using low-depth X-chromosome data ".
doi:10.1093/bioinformatics/btz660
? Novembre & Ramachandran 2011 "Perspectives on human population structure at the cusp of the sequencing era" doi:10.1146/annurev-genom-090810-183123.
? "Exploring Population Structure with Admixture Models and Principal Component Analysis" 2020 Chapter 4. Chi-Chun Liu, Suyash Shringarpure, Kenneth Lange, and
? John Novembre. Libro "Statistical Population Genomics".
? Lawson, Van Dorp, Falush 2018. "A tutorial on how not to over-interpret STRUCTURE and ADMIXTURE bar plots". DOI: 10.1038/s41467-018-05257-7
? Benjamin Peter 2016 "Admixture, Population Structure, and F -Statistics", doi: 10.1534/genetics.115.183913
?

Observaciones

Algunas de las clases las impartirán profesores foráneos invitados (investigadores internacionales) y serán impartidas en inglés. Por lo tanto es importante tener conocimientos de inglés.